

狂犬病ウイルスの神経病原性に係わるウイルス及び 宿主側因子

メタデータ	言語: jpn
	出版者:
	公開日: 2008-03-12
	キーワード (Ja):
	キーワード (En):
	作成者: 源, 宣之
	メールアドレス:
	所属:
URL	http://hdl.handle.net/20.500.12099/333

## 平成8年度~平成10年度科学研究費補助金(基盤研究(B)(2)) 研究成果報告書

## 狂犬病ウイルスの神経病原性に係わる ウイルス及び宿主側因子

## はしがき

狂犬病は約4,000年前から人類に知られている。にもかかわらず、多くの急性伝染病の発生が減少した今日においても、世界のその発生状況はこの数十年間あまり変化していない。しかも、本病は高度に医療技術の発達した現在においても人や動物が発病するとほぼ100%死亡する極めて危険な人畜共通伝染病である。何故に、我々はこの危険な伝染病を地球上から駆逐させることが出来ないのであろうか。これは狂犬病の特異な病態とその病原体である狂犬病ウイルスの性状に起因するものと思われる。本病病原体の科学的な研究は1880年代にパスツールによって幕開けられた。パスツールは危険な野外ウイルスである街上毒をウサギの脳組織に長期継代することによて、潜伏期間の一定・短縮化、末梢感染性の低下など病原性の変化した固定毒を作出した。その後現在まで、固定毒はワクチン開発を始め、種々の基礎的な研究に大きく貢献している。しかし、狂犬病ウイルスの病原性に関する知見は乏しく、現在においても街上毒の長期かつ不定の潜伏期間中のウイルスの生体内での動態、激しい神経症状を示すにも係わらず神経組織変化がほとんど認められないこと、街上毒から固定毒への変異機構などはほとんど不明のままである。

そこで、本研究では狂犬病ウイルスの神経病原性の分子基盤を確立することを目的に、まず我が国の動物用狂犬病ワクチンの製造株で、哺乳マウスに対してのみ病原性を示す、弱毒型のRC-HL株とその親株で成熟マウスに病原性を持つ、強毒型の西ヶ原株の遺伝性状を比較検討した。ついで、弱毒型のRC-HL株を哺乳マウスの脳組織で継代し、成熟マウスに病原性を示す病原復帰株の作出及びそれらの遺伝子解析を行った。また、狂犬病ウイルスの各構造蛋白質に対するモノクローナル抗体(MAb)を用いて、それらに対するエピトープの解析を通して、病原性に関連するアミノ酸領域の特定を試みた。さらに、狂犬病ウイルスの病原性を宿主側から調べるために、感染神経細胞の機能変化を細胞内カルシュウムやイオンチャンネルの動態から電気生理学的に追求した。

その結果、強毒株の培養神経細胞における細胞病原性が弱毒株のそれより極めて微弱なことを明らかにした。一方、遺伝子解析より、両株間で認められる糖(G)蛋白質のアミノ酸の違いは13ケ所のみで、これまでに弱毒株で報告されていた病原性に関与していると推定されていた333番目のアミノ酸の変化は認められなかった。RC-HL株を哺乳マウスの脳組織で22代継代したが、成熟マウスに病原性を示す病原復帰株は作出するこ

とが出来なかった。種々のMAbに対するエピトープを特定したところ、病原性に関連すると推測されるエピトープが確認された。狂犬病ウイルス感染培養神経細胞の膜電位をホールセルパッチクランプ法で調べた。その結果、Na電流が小さくなり、細胞の機能障害を起こすメカニズムを解明する手がかりが得られた。

以上の如く、狂犬病ウイルスの病原性について、一部が明らかになり、また次に進むべき手がかりが得られた。そこで、これまでに明らかに出来た新しい知見を本報告書にまとめ、それらを参考にして、引き続き検討すべき多くの課題の解決に当たりたい。なお、本研究を実施する端緒となった狂犬病ウイルスの分子生物学的性状を解析した基礎的な論文を末尾に添付した。

本研究を遂行するに当たり、私共の講座の大学院及び学部学生諸君のご協力を頂いた。心から謝意を表したい。

最後に、科学研究費の補助を受けて本研究が実施され、かつこの研究成果報告書をま とめることが出来たことに対して、文部省当局はじめ関係各位に深く感謝申し上げる。